

GRILLE DE SELECTION DU COCKER ANGLAIS

TB = Très Bon	SPE = Spéciale de race
EXC = Excellent	RE = Régionale d'élevage
CJ = Classe Jeune	NE = Nationale d'élevage
CI = Classe Intermédiaire	CHPT = Championnat de France
CO = Classe Ouverte	TAN = Test d'Aptitude Naturelle organisé par le club de race
CT = Classe Travail	APR = Atrophie Progressive de la Rétine
CCH = Classe Champion	NF = Néphropathie Familiale

Complétée par la Commission d'élevage de la SCC le 26/10/2019

Validée par le Comité de la SCC le 19/02/2019

1 point / 6	2 points / 6	3 points / 6	4 points / 6 RECOMMANDE	5 points / 6 ELITE B	6 Points ELITE A
CONFIRME	CONFIRME + TAN + 1 TB en expo + Test génétique APR + Test génétique NF + Identification génétique + pedigree complet	CONFIRME + 2 EXC en exposition dont 1 en RE, CHPT ou NE sous 2 juges différents + TB en Field-Trial + Dysplasie de la hanche : lecture A, B ou C + Test génétique APR + Test génétique NF + Identification génétique + pedigree complet	CONFIRME + 3 EXC en exposition dont 1 en RE, CHPT ou NE sous 2 juges différents + EXC en Fiel-Trial + Dysplasie de la hanche : lecture A, B ou C + Test génétique APR + Test génétique NF + Identification génétique + pedigree complet	Sujet CONFIRME + identification génétique, dysplasie de la hanche A, B, ou C + test génétique APR et NF ayant produit en 1 ^{ère} génération : Mâle : 4 descendants cotés 3 points avec 2 lices Femelle : 4 descendants cotés 3 points en 2 portées + Compatibilité génétique avec ses descendants + pedigree complet	Sujet RECOMMANDE ayant produit en 1 ^{ère} génération : Mâle : 4 descendants cotés 3 points avec 2 lices Femelle : 4 descendants cotés 3 points en 2 portées + Compatibilité génétique avec ses descendants

NB : Pour tous les sujets qui obtiennent une cotation de 2 à 4 ou un titre de champion pour lesquels l'identification génétique est requise, l'empreinte doit être enregistrée dans la base de données SCC.

Pour tous les sujets qui obtiennent une cotation 5 ou 6, la compatibilité de filiation des descendants doit être enregistrée dans la base de données de la SCC ainsi que l'empreinte ADN du sujet.